

日本 DNA 多型学会第 19 回学術集会プログラム

2010年11月18日(木)

9:20~10:50 口演発表9題(小ホール)

9:20~10:00 口演セッション1:検出技術(1)

座長 湯浅 勲(鳥取大学医学部法医学分野)

- 1 演題名:21 ローカスの STR 分析による身元確認精度向上の可能性の検討
発表者氏名:西村和真^{1,2}, 大平寛², 山本伊佐夫², 山田良広²
所属:¹警視庁科学捜査研究所,²神奈川歯科大学社会医歯学系社会歯科学講座法医学分野
- 2 演題名:DNA チップを用いた SNP 解析による二者間の血縁関係判定
発表者氏名:稲岡齊彦¹, 田嶋敦², 田村友紀³, 田中佐知³, 佐藤文子¹, 筒井健太¹, 佐藤至³, 大澤資樹¹
所属:¹東海大学医学部基盤診療学系法医学,²東海大学医学部基礎医学系分子生命科学,³神奈川県警察科学捜査研究所
- 3 演題名:高速 PCR の STR マルチプレックスタイピングシステムへの応用
発表者氏名:山本敏充¹, 吉本高士¹, 井上真紀²
所属:¹名古屋大学大学院医学系研究科(法医・生命倫理学),²トラストメディカル株式会社バイオ開発部
- 4 演題名:Y 染色体系統分類への MiniPCR-SNPs 法の応用(第2報)
発表者氏名:沖貴仁, 林徳多郎, 太田正穂, 浅村英樹
所属:信州大学医学部法医学講座

10:00~10:50 口演セッション2:臨床応用

座長 玉木 敬二(京都大学医学部法医学講座)

- 5 演題名:法医剖検例における時計遺伝子プロモーター領域のメチル化解析
発表者氏名:中留真人, 折井みなみ, 浜島誠, 平田ゆかり, 植村美里, 平山沙也香, 磯部一郎
所属:藤田保健衛生大学医学部法医学講座
- 6 演題名:麻薬受容体遺伝子 OPRM1(6q24-25A118G)の人種差と多型による麻薬性鎮痛薬の必要量について
発表者氏名:中村貴子¹, 猪股伸一², 本田克也¹
所属:¹筑波大学人間総合科学研究科法医学

²筑波大学人間総合科学研究科麻酔蘇生学

- 7 演題名：心筋症に基づく突然死症例における mtDNA 遺伝子解析
発表者氏名：小林正宗，中村茂基，村上千香子，前田一輔，入江渉，林まい子，佐々木千寿子，中丸尚美，古川理孝，栗原克由
所属：北里大学医学部法医学教室
- 8 演題名：ATP6V0A2 の変異による先天性グリコシル化異常症
発表者氏名：湯浅勲¹，遠藤実¹，入澤淑人¹，中川真由美²，岡西徹^{3, 4}，大野耕策⁴
所属：¹鳥取大学医学部法医学分野，²鳥取大学医学部病態検査医学講座，³聖隷浜松病院小児科，⁴鳥取大学医学部脳神経小児科分野
- 9 演題名：死後変化に伴う microRNA (miRNA) の経時的挙動
発表者氏名：橋谷田真樹，臼井聖尊，大久保愉一，林崎義映，境 純，舟山真人
所属：東北大学大学院医学系研究科社会医学講座法医学分野

11:00～12:00 展示発表 12題 (第一会議室)

11:00～11:40 ポスターセッション1：動物の DNA 多型
座長 吾郷一利 (鹿児島大学大学院医歯学総合研究科)

- P01 演題名：ニホンザルとヒトおよびチンパンジーとの DXS6809, DXS7133, DXS9898, DXS9902 アリルの構造比較
発表者氏名：吾郷一利¹，林 敬人¹，吾郷美保子¹，中河志朗²，小片 守¹
所属：¹鹿児島大学大学院医歯学総合研究科法医学分野，²鹿児島大学大学院医歯学総合研究科神経解剖学分野
- P02 演題名：糞DNAを利用した小型食肉目の生息状況および食性調査
発表者氏名：黒瀬奈緒子
所属：北里大学獣医学部生物環境科学科生態管理学研究室
- P03 演題名：生物医学研究推進のためのフィリピン産カニクイザル MHC 遺伝子の多型解析
発表者氏名：太田正穂¹，田中景子²，勝山善彦³，北夕紀²，小田部耕二⁴，坂本憲吾⁴，倉田昌明⁴，野村護⁴，山中久⁴，中川博司⁴，浅村英樹¹，猪子英俊²，椎名隆²
所属：¹信州大学医学部法医学教室，²東海大学医学部基礎医学系分子生命科学，³信州大学医学部薬剤部，⁴株式会社イナリサーチ
- P04 演題名：九州地方で検出されたアライグマの母系タイプ
発表者氏名：高田雄三
所属：防衛医科大学校共同利用研究施設
- P05 演題名：19種のイヌSTR座位における種特異性の検討と法科学分野応用への一考察
発表者氏名：河上剛¹，杉山将¹，鄭英和¹，宇田川智野¹，市東正幸¹，坂本敦司²，土

田修一³，近江俊徳¹

所属：¹日本獣医生命科学大学獣医保健看護学基礎部門，²自治医科大学解剖学講座法医学部門，³日本獣医生命科学大学比較細胞生物学教室

P06 演題名：我が国で飼育されているイヌの mtDNA HV1 ハプロタイプの検出（第1報）

発表者氏名：杉山将¹，鄭英和¹，市東正幸¹，河上剛¹，宇田川智野¹，盆子原誠²，奥田浩³，土田修一⁴，近江俊徳¹

所属：¹日本獣医生命科学大学獣医保健看護学基礎部門，²日本獣医生命科学大学臨床病理学研究室，³自治医科大学 総合教育部門，⁴日本獣医生命科学大学比較細胞生物学教室

P07 題名：脳内神経伝達物質受容体多型と一般家庭犬が示す品種特性について

発表者氏名：田中佐知¹，中木真一²，佐藤至¹

所属：¹神奈川県警察科学捜査研究所，²広島県警察科学捜査研究所

P08 演題名：ツキノワグマの脱毛後の毛 DNA の劣化状況

発表者氏名：森光由樹

所属：兵庫県立大学自然・環境科学研究所森林動物研究センター

11：40～12：00 ポスターセッション2：植物の DNA 多型

座長 田原誠（岡山大学大学院自然科学研究科）

P09 演題名：ニホンナシにおける TRIM 型レトロトランスポゾン配列の取得と品種識別 マーカーへの利用

発表者氏名：Hoytaek Kim¹，寺上伸吾¹，西谷千佳子¹，澤村豊¹，栗田加奈子²，金森裕之²，片寄裕一³，齋藤寿広¹，山本俊哉¹

所属：¹農業・食品産業技術総合研究機構果樹研究所，²農林水産先端技術研究所，³農業生物資源研究所

P10 演題名：ラン科 *Dendrobium* 属の rDNA-ITS データベースを用いた生薬「石斛」の基原植物の同定

発表者氏名：高宮知子¹，Pheravut Wongsawad²，Apirada Sathapattayanon³，田島奈津子²，塩田奈緒¹，半田高⁴，飯島洋¹，北中進¹，遊川知久³

所属：¹日本大学薬学部，²筑波大学生物資源学類，³国立科学博物館筑波実験植物園，⁴明治大学農学部

P11 演題名：シンビジウム品種内系統判別のための DNA マーク開発

発表者氏名：古川浩二¹，岩澤洋樹¹，阿部知子²，松山知樹³

所属：¹株式会社向山蘭園，²理化学研究所仁科センター，³理化学研究所基幹研究所

P12 演題名：小麦品種判別への超高速 PCR の応用

発表者氏名：井上真紀¹，山本敏充²，橋本和宏¹，藤田由美子³，矢野博³

所属：¹トラストメディカル株式会社バイオ開発部，²名古屋大学大学院医学系研究科（法医・生命倫理学），³（独）農研機構・近畿中国四国農業研究センター

12：15～13：15 評議員会（特別会議室）昼食休憩

13：30～15：10 展示発表 20題（第一会議室）

13：30～14：10 ポスターセッション3：法科学的鑑定

座長 神田芳郎（久留米大学医学部法医学講座）

P13 演題名：IBS 値に基づく血縁関係解析法の実用性

発表者氏名：田村友紀¹，木村亮介²，稲岡斉彦³，田中佐知¹，佐藤文子³，佐藤至¹，大澤資樹³

所属：¹神奈川県警科捜研，²琉球大亜熱帯島嶼科学，³東海大法医

P14 演題名：DNase II 遺伝子に座位する非同義置換型 SNP には不活性な酵素を産生する minor allele が分布する

発表者氏名：藤原純子¹，木村かおり¹，竹下治男¹，中島たみ子²，小湊慶彦²，湯浅勲³，飯田礼子⁴，植木美鈴⁴，安田年博⁴

所属：¹島根大学医学部，²群馬大学医学系大学院，³鳥取大学医学部，⁴福井大学医学部

P15 演題名：H19 インプリント遺伝子のハプロタイプ分析～2

発表者氏名：中屋敷徳¹，湯浅勲²，山本敏充³，出羽厚二¹

所属：¹岩手医科大学医学部法医学講座，²鳥取大学医学部法医学分野，³名古屋大学大学院医学系研究科社会生命科学講座（法医・生命倫理学）

P16 演題名：CGH 法を用いた遺伝子解析

発表者氏名：辻彰子，臼元洋介，引地和歌子，梅原敬弘，池田典昭

所属：九州大学大学院医学研究院法医学分野

P17 演題名：DXS10135 および DXS10146 の構造多型

発表者氏名：永井淳¹，原正昭²，木戸啓³，武内康雄¹

所属：¹岐阜大学大学院医学系研究科法医学分野，²埼玉医科大学法医学，³名古屋医専

P18 演題名：クローニング法を用いた DNA 鑑定～対照資料にヘテロプラスミーを認めた事例～

発表者氏名：大平寛¹，西村和真^{1, 2}，山本伊佐夫¹，山田良広¹

所属：¹神奈川歯科大学社会医歯学系社会歯科学講座法医学分野，

²警視庁科学捜査研究所

P19 演題名：皮膚面付着物からのDNA型検査に関する研究

発表者氏名：石河淳¹，松村秀策¹，百田英美¹，辻彰子²，池田典昭²

所属：¹福岡県警察本部刑事部科学捜査研究所，

²九州大学大学院医学研究院法医学分野

P20 演題名：DNA 混合資料の濃度変化によるアリルピークの影響について

発表者氏名：真鍋翔，尾関宗孝，川合千裕，垣本由布，木田佳枝，鶴山竜昭，

玉木敬二

所属：京都大学大学院医学研究科法医学講座

14：10～14：45 ポスターセッション4：人間のDNA 多型

座長 山本敏充（名古屋大学大学院医学系研究科）

P21 演題名：Quenching Probe 法による ABO 式遺伝子型検査および RHD 遺伝子検査

発表者氏名：堤博文^{1, 2}，伊澤光^{1, 2}，丸山澄^{1, 2}，小室歳信^{1, 2}，鉄堅³，内ヶ崎西作³

所属：¹日本大学歯学部法医学教室，²日本大学総合歯学研究所社会歯学部門，³日本大学医学部社会医学系法医学分野

P22 演題名：アリル特異的伸長反応による微量 DNA からの ABO 式血液型判定

発表者氏名：浅利 優¹，岡 久美子¹，大村友博¹，間瀬田千香暁¹，塩野 寛¹，松原和夫²，松田光悦³，清水恵子¹

所属：¹旭川医科大学法医学講座，²旭川医科大学病院薬剤部，³旭川医科大学歯科口腔外科学講座

P23 演題名：Real-Time PCR を用いた TaqMan Probe ABO genotyping II

発表者氏名：前田一輔，村上千香子，入江涉，小林正宗，林まい子，佐々木千寿子，中丸尚美，中村茂基，古川理孝，栗原克由

所属：北里大学医学部法医学教室

P24 演題名：18-locus X-STR Multiplex PCR system の開発と日本人における出現頻度

発表者氏名：中村安孝，鮫島道長，水口清

所属：東京歯科大学法歯学講座

P25 演題名：ABO 血液型の A-weak 表現型関連アレルとその形成

発表者氏名：沖浦達幸¹，西向弘明¹，辻村隆介¹，福森泰雄²

所属：¹愛媛大学大学院病態解析学講座法医学分野，²大阪府赤十字血液センター

P26 演題名：日本人集団における 12 種の X-STR の多型性解析

発表者氏名：田村明敬，佐藤貴子，土橋均，鈴木廣一

所属：大阪医科大学法医学教室

P27 演題名：宮崎県における Y-STR の遺伝子頻度分布と遺伝学的検討

発表者氏名：前田育子¹，清水健史¹，長谷川哲朗¹，大野里香¹，内山岳人¹，中田大仁¹，久澄倫之介¹，小黒紘子¹，関口和正²，今泉和彦²，笠井賢太郎²

所属：¹宮崎県警察本部刑事部科学捜査研究所，²科学警察研究所法科学第一部

14:45～15:10 ポスターセッション5：遺伝子発現

座長 安田年博（福井大学医学部病態遺伝生化学領域）

- P28 演題名：ヒト SOD1, SOD2 および SOD2 遺伝子内の非同義置換型 SNP の同時解析—血清 SOD 活性と多型性 SNP との相関について
発表者氏名：安田年博¹, 植木美鈴¹, 飯田礼子², 竹下治男³
所属：¹福井大学医学部病態遺伝生化学領域, ²福井大学医学部生命基礎科学領域, ³島根大学医学部法医学
- P29 演題名：拘束ストレス下における覚せい剤の心筋への影響—マウスのグルココルチコイドレセプター (GR) 多型の関与—
発表者氏名：富田正文¹, 奥山敏子¹, 勝山博信², 松島眞浩², 日根野谷一², 伏見滋子², 日高和夫³, 渡辺洋子³
所属：¹川崎医科大学医用中毒学教室, ²川崎医科大学公衆衛生学教室, ³川崎医科大学自然科学教室
- P30 演題名：Association study of polymorphisms in *CTXN3* gene with schizophrenia in Thai Population
発表者氏名：Benjaporn Panichareon¹, Kazuhiro Nakayama², Wasana Sukhumsirichart¹, Wanpen Thurakitwannakarn³, Yasuo Kagawa⁴, Sadahiko Iwamoto²
所属：¹*Department of Biochemistry, Faculty of Medicine, Srinakharinwirot University*, ²*Division of Human Genetics, Center for Molecular Medicine, Jichi Medical University*, ³*Department of Psychiatry, Faculty of Medicine, Srinakharinwirot University*, ⁴*Kagawa Nutrition University*
- P31 演題名：高脂血症感受性遺伝子 *TRIB1* は高血圧とも関連する。
発表者氏名：石塚裕美¹, 中山一大¹, 小川歩美¹, 柳沢佳子¹, 後藤孝也¹, 宮本洋², 岩本禎彦¹
所属：¹自治医科大学分子病態治療研究センター—人類遺伝学研究部, ²自治医科大学附属病院健診センター
- P32 演題名：マウス尿中 8-OHdG に及ぼす拘束ストレス下における覚醒剤の影響とグルココルチコイドレセプター (GR) 多型の関与
発表者氏名：渡辺洋子¹, 日高和夫¹, 富田正文², 奥山敏子², 勝山博信³, 松島眞浩³, 日根野谷一³, 伏見滋子³
所属：¹川崎医科大学自然科学教室, ²川崎医科大学医用中毒学教室, ³川崎医科大学, 公衆衛生学教室

15 : 15 ~ 16 : 55 口演発表9題 (小ホール)

15 : 15 ~ 15 : 55 口演セッション3 : 法医学的鑑定

座長 赤根敦 (関西医科大学法医学教室)

10 演題名 : Y染色体のハプログループを利用した民族推定法の開発

発表者氏名 : 室友紀^{1, 2}, 今村真二^{1, 2}, 渡部有希菜¹, 中村博明¹, 藤原純子², 飯田礼子³, 安田年博⁴, 木村かおり², 湯浅勲⁵, 副島美貴子⁶, 神田芳郎⁶, 竹下治男²

所属 : ¹ 島根県警察本部科学捜査研究所, ² 島根大学医学部法医学講座, ³ 福井大学医学部生命基礎科学領域, ⁴ 福井大学医学部病態遺伝生化学領域, ⁵ 鳥取大学医学部法医学分野, ⁶ 久留米大学医学部法医学講座

11 演題名 : 混合資料における法数学的解析プログラムの開発・検討・利用

発表者氏名 : 竹内晴哉, 鳥巢陽子, 宮尾昌, 堀元英, 今井裕紀子, 小谷泰一, 玉木敬二

所属 : 京都大学大学院医学研究科法医学講座

12 演題名 : Identifiler Kit における非特異ピークの成因

発表者氏名 : 渡辺剛太郎¹, 梅津和夫², 佐藤道比古³, 山崎健太郎²

所属 : ¹ 山形県警察本部科学捜査研究所, ² 山形大学医学部法医学分野, ³ 山形大学医学部実験実習機器センター

13 演題名 : TaqMan 法を用いた *FUT2* CNV 検査法を用いた新規 *Alu* mediated deletion の同定

発表者氏名 : 副島美貴子, 神田芳郎

所属 : 久留米大学医学部法医学・人類遺伝学講座

15 : 55 ~ 16 : 55 口演セッション4 : 動物の DNA 多型 (1)

座長 黒瀬奈緒子 (北里大学獣医学部生物環境科学科)

14 演題名 : ニホンザル集団の父系解析に向けた Y-STR 多型マーカー探索

発表者氏名 : 市東正幸¹, 河上剛¹, 杉山将¹, 鄭英和¹, 宇田川智野¹, 坂本敦司², 土田修一³, 名切幸枝⁴, 羽山伸一⁵, 近江俊徳¹

所属 : ¹ 日本獣医生命科学大学獣医保健看護学基礎部門, ² 自治医科大学解剖学講座法医学部門, ³ 日本獣医生命科学大学比較細胞生物学教室, ⁴ LLC まかく堂, ⁵ 日本獣医生命科学大学野生動物教育研究機構

15 演題名 : 次世代シーケンサーを用いたカニクイザルにおける Exome 変異検出法の確立

発表者氏名 : 鈴木進悟¹, 細道一善¹, 小田部耕二², 坂本憲吾², 倉田昌明², 野村護²,

山中久², 中川博司², 太田正穂³, 猪子英俊¹, 井ノ上逸朗¹, 椎名隆¹

所属：¹東海大学医学部基礎医学系分子生命科学, ²(株)イナリサーチ, ³信州大学医学部法医学研究室

16 演題名：毛色遺伝子多型から見た蒙古在来白馬集団の特徴

発表者氏名：斯欽高娃¹, 向山明孝¹, 芒来², 戸崎晃明³, 斎藤徹¹

所属：¹日本獣医生命科学大学, ²内蒙古農業大学, ³競走馬理化学研究所

17 演題名：動物種特異的臓器分布から明らかにされた DNase I の分子進化

発表者氏名：藤原純子¹, 竹下治男¹, 安田年博², 植木美鈴², 飯田礼子², 中島たみ子³, 小湊慶彦³

所属：¹島根大学医学部, ²福井大学医学部, ³群馬大学医学系大学院

18 演題名：次世代シーケンサーRoche 454FLX を用いた MHC タイピング法の開発

発表者氏名：北夕紀, 安藤麻子, 田中景子, 細道一善, 猪子英俊, 椎名隆

所属：東海大学医学部基礎医学系分子生命科学

19 演題名：糞及び口内細胞由来の DNA を用いた国内飼育下キリンの亜種判別

発表者氏名：安井早紀¹, 吉原正人², 楠田哲士³, 村山美穂¹

所属：¹京都大学野生動物研究センター, ²東京都多摩動物公園, ³岐阜大学応用生物科学部

17:30~18:30 招待講演 (小ホール)

「生物多様性情報とバーコード・オブ・ライフ」

菅原秀明 (国立遺伝学研究所特任教授)

19:00~21:00 懇親会 (三島プラザホテル)

2010年11月19日 (金)

9:20~11:50 口演発表15題 (小ホール)

9:20~10:10 口演セッション5:動物のDNA多型(2)

座長 北野誉 (茨城大学工学部)

20 演題名：ミトコンドリア DNA の SNP による塩基置換パターンの解析

発表者氏名：河合洋介¹, 斎藤成也²

所属：¹立命館大学生命科学部生命情報学科, ²国立遺伝学研究所集団遺伝研究部門

21 演題名：MHC 領域の遺伝的多様性から推察するペンギン類希少種と生態環境

発表者氏名：津田とみ^{1,2}, 吉川枝里¹, 猪子英俊¹

所属：¹東海大学医学部, ²徳島文理大学人間生活学部

- 22 演題名：Coral Triangle におけるオニヒトデの reef-connectivity
発表者氏名：安田仁奈¹，長井敏¹，Coralie Taquet²，Suharsono³，Miguel Fortes⁴，
灘岡和夫²
所属：¹水産総合研究センター瀬戸内海区水産研究所，²東京工業大学，³インドネシア
海洋研究所，⁴フィリピン大学海洋研究所
- 23 演題名：チョウセンアカシジミの進化史を探る
発表者氏名：永幡嘉之，梅津和夫，山崎健太郎
所属：山形大学医学部法医学教室
- 24 演題名：メタゲノム解析による海洋低次生態系の多様性比較
発表者氏名：長井敏¹，野口大毅²，阿部和雄³
所属：¹水産総合研究センター瀬戸内海区水産研究所，²日本総合科学，³水産総合研究
センター西海区水産研究所

10：10～11：00 口演セッション6：水産領域のDNA 多型

座長 大原一郎（水産総合研究センター中央水産研究所）

- 25 演題名：カジカ集団の遺伝情報に見られた，特異な繁殖履歴
発表者氏名：村岡敬子¹，山下慎吾¹，篠塚由美¹，三輪準二¹，中山雅文²，宮島泰志³
所属：¹独立行政法人土木研究所，²国土交通省長崎河川国道事務所，³株式会社建設技
術研究所九州支社
- 26 演題名：Site-Specific PCR を用いたハマトビウオ属6種の種判別
発表者氏名：大原一郎¹，星野浩一²，高嶋康晴³，小林敬典¹，斉藤憲治¹，重信裕弥¹，
猿渡敏郎⁴，米沢純爾⁵
¹独立行政法人水産総合研究センター中央水産研究所，²独立行政法人水産総合研究セ
ンター西海区水産研究所，³独立行政法人農林水産消費安全技術センター，⁴東京大学
大気海洋研究所，⁵東京都島しょ農林水産総合センター
- 27 演題名：ホッケの遺伝的変異性について
発表者氏名：柳本卓，北村徹，小林敬典
所属：独立行政法人水産総合研究センター遠洋水産研究所
- 28 演題名：愛媛県宇和海で採集されたウグイスガイ科貝類の種判別—マベガイの分布域
北上の可能性—
発表者氏名：正岡哲治¹，藤原篤志²，小林敬典²
所属：¹独立行政法人水産総合研究センター養殖研究所生産技術部育種研究グループ，
²独立行政法人水産総合研究センター中央水産研究所水産遺伝子解析センター
- 29 演題名：次世代シーケンサーRoche454 による水産生物のマイクロサテライトマーカー
探索の試みについて

発表者氏名：柳本卓，若林敏江，重信祐弥，小林敬典
所属：独立行政法人水産総合研究センター遠洋水産研究所

11：00～11：50 口演セッション7：植物のDNA多型・検出技術（2）
座長 矢野博（農研機構・近畿中国四国農業研究センター）

30 演題名：果樹類での種判別マーカーの開発

発表者氏名：木村鉄也¹，寺上伸吾²，西谷千佳子²，山本俊哉²

所属：¹種苗管理センター，²農業・食品産業技術総合研究機構果樹研究所

31 演題名：コンニャクにおける品種識別マーカーの開発

発表者氏名：野口友嗣^{1, 2}，細渕朗子^{1, 2}，高宮知子^{1, 2, 3}，飯塚弘明⁴，加藤晃⁴，山下秀次⁵，村上康文²，奥泉久人¹

所属：¹農業生物資源研究所，²東京理科大学，³日本大学，⁴群馬県農業技術センター，⁵東海大学

32 演題名：*Allium cepa*におけるフラボノイド合成系酵素遺伝子の座乗染色体

発表者氏名：増崎真一¹，執行正義²

所属：¹山口県警察本部科学捜査研究所，²山口大学農学部生物資源環境科学科

33 演題名：レトロトランスポゾン挿入部位を利用したインゲン種 (Species) マーカーの開発

発表者氏名：田中康統¹，進藤彰子¹，田原誠¹，山下陽子²

所属：¹岡山大学大学院自然科学研究科，²北海道立総合研究機構農業研究本部中央農業試験場作物開発部

34 演題名：ゲノムワイド関連解析における SNP 間相互作用検出法の開発

発表者氏名：吉田真希子，小池麻子

所属：日立製作所中央研究所

12：00～13：00 ランチョンセミナー（大会議室）昼食休憩

13：30～14：00 総会（小ホール）

14：00～14：30 学会賞授与式，次期学術集会実行委員長挨拶（小ホール）

シンポジウム会場へ移動

15：00 国立遺伝学研究所行きのバス発車（三島市民文化会館駐車場より）

2010年11月19日（金）

15：30～18：30 シンポジウム（国立遺伝学研究所講堂）

講演S1 15：30～16：00

演者：神田芳郎（久留米大学医学部法医学・人類遺伝学）

演題：集団間差が認められる形質の遺伝子多型解析

講演S2 16：00～16：30

演者：大澤資樹（東海大学医学部・法医学）

演題：原因不明の突然死に対する死後遺伝子解析

講演S3 16：30～17：00

演者：水口清（東京歯科大学・法歯学）

演題：DNA多型による1人の対象者の地理的由来の推定とデータベース情報の必要条件

講演S4 17：00～17：30

演者：山本敏充（名古屋大学医学部・法医学）

演題：常染色体性マイクロサテライトからみた東・東南アジアの人々の遺伝的關係

講演S5 17：30～18：00

演者：徳永勝士（東京大学医学部・人類遺伝）

演題：ゲノムワイド多様性解析によってわかること

講演S6 18：00～18：30

演者：五條堀孝（国立遺伝学研究所・遺伝情報分析研究室）

演題：ヒトゲノムにおける転写開始サイトの全分布

18：45 三島駅行きのバス発車（国立遺伝学研究所駐車場より）

2010年11月20日(土) シンポジウム(国立遺伝学研究所)

9:30~12:30 シンポジウム(国立遺伝学研究所)

講演S7 9:30~10:00

演者:長田直樹(国立遺伝学研究所・進化遺伝研究部門)

演題:ヒトゲノムの多様性とゲノムにかかる自然選択について

講演S8 10:00~10:30

演者:間野修平(統計数理研究所)

演題:縄文人のゲノム~階層ベイズモデルによる現存しない祖先集団ゲノムの推測~

講演S9 10:30~11:00

演者:井ノ上逸朗(国立遺伝学研究所・人類遺伝研究部門)

演題:ヒト多様性研究の原動力となる疾患ゲノム解析

講演S10 11:00~11:30

演者:今西規(産業技術総合研究所)

演題:トランスクリプトームの網羅的解析に基づくヒト遺伝子の多型

講演S11 11:30~12:00

演者:鎌谷直之(情報解析研究所)

演題:ゲノムワイド関連解析の進展と展望

講演S12 12:00~12:30

演者:斎藤成也(国立遺伝学研究所・集団遺伝研究部門)

演題:高頻度の混血を示す東南アジアの先住民